

## دانشگاه علوم پزشکی فسا دانشکده پزشکی پایان نامه برای دریافت درجه کارشناسی ارشد بیوتکنولوژی پزشکی

## عنوان:

استفاده از یک پانل چندگانه برای تشخیص سلولهای تومور گردشی (CTC) در خون محیطی بیماران مبتلا به سرطان پستان برای تشخیص زود هنگام با استفاده از تکنیک RealTime PCR

نگارنده:

هانيه فولادي

استاد راهنما

دکتر علی قنبری اسد

استاد مشاور

دكتر شيرين محمودي

سال ۲۰۰ ۱

شماره پایاننامه: ۱۳۸

## چکیده

استفاده از یک پانل چندگانه برای تشخیص سلولهای تومور گردشی (CTC) در خون محیطی بیماران مبتلا به سرطان بستان برای تشخیص زود هنگام با استفاده از تکنیک RealTime PCR

مقدمه: سلولهای توموری گردشی یا CTCها سلولهای اپیتلیالی هستند که در خون بیماران مبتلا به سرطان پستان قابلتشخیص هستند و الگوی بیان ژن در این سلولها متفاوت از سلولهای نرمال خون میباشد. با این حال، نقش آنها در تشخیص زودهنگام سرطان پستان هنوز مشخص نشده است. یک روش تشخیص این سلولها استفاده از نشانگرهای مولکولی است. بنابر این، در این مطالعه، حضور  $\circ$  ژن خاص جهت تشخیص سلولهای توموری گردشی مورد ارزیابی قرار گرفت.

روش بررسی: در این مطالعه، بیان ژنهای ۴ CK۱۹-CK۲۰-Maspin-Survivin-Ephb بر روی ۵ رده سلولی و نمونه خون محیطی از ۳۰ بیمار مبتلا به سرطان پستان که هنوز وارد فاز درمان نشدهاند با استفاده از ۳۰ بیمار مبتلا به سرطان پستان که هنوز وارد فاز درمان نشدهاند با استفاده از ۳۰ بیمار مبتلا به عنوان گروه کنترل انتخاب شدند.

تایج: زمانی که تنها بیان یک ژن در نظر گرفته شد، بیشترین و کمترین حساسیت به ترتیب مربوط به ) SURVIVIN ( ۱۹۹۰ کی جناسیت به ترتیب مربوط به ژن (۲۰۰ و ۲۰۰ کی و ۲۰۰ و ۲۰۰ و ۲۰۰ و ۲۰۰ کی و ۲۰۰ و ۲۰۰ و ۲۰۰ و ۲۰۰ کی و ۲۰۰ و ۲۰۰ کی و ۲۰۰ کی بیان تمام پنج ژن به طور همزمان بررسی شد، سطح خاصیت به ۱۰۰٪ افزایش یافت، در صورتی که کاهش شدیدی در حساسیت مشاهده شد.

بحث و نتیجه گیری: ارزیابی بیان یک ژن به منظور تشخیص سلولهای توموری گردشی، به تنهایی نمی تواند ابزار مفیدی باشد. با این حال، استفاده از چندین مارکر به صورت پانل می تواند در تشخیص این نوع سلولها و تشخیص زود هنگام سرطان پستان بسیار مؤثر باشد.

واژگان كليدى: سرطان يستان، سلولهاى تومورى گردشى،Real Time PCR، تشخيص اوليه

## **Abstract**

Background and Objective: Circulating cells are epithelial cells that are detectable in the blood of breast cancer patients and the pattern of genes expression in these cells is different from that of the blood cells. However, their role in the early diagnosis of breast cancer has not yet been fully elucidated. One way of detecting these cells is through the use of molecular markers. Therefore, in this study, the presence of ° specific genes was identified.

Materials and Methods: In this study, the expression of CK<sup>19</sup>-CK<sup>7</sup>·-Maspin-Survivin-Ephb<sup>£</sup> genes was done on ° cell lines and peripheral blood samples from <sup>7</sup>· breast cancer patients who had not yet entered the untreated phase using Real-Time PCR. Moreover, <sup>7</sup>· healthy individuals were assigned to the control group.

Results: When only one gene was involved, the highest and lowest values of sensitivity were observed in Survivin ( $^{9} \cdot \%$ ) and CKY  $\cdot$  ( $^{5} \cdot \%$ ) respectively. In addition, the highest and lowest specificity

values were observed in CK  $\$  ( $\$  ( $\$  ·  $\$ ) and Ephb $\$  ( $\$  ·  $\$ ) respectively. But when the expression of all five genes was done simultaneously, the level of specificity increased to  $\$  · ·  $\$  , even though a sharp decrease was observed in sensitivity.

Conclusion: In order to detect circulating tumor cells, evaluating the expression of a gene cannot be helpful. However, the use of biomarker panel can be very effective in detecting these types of cells and hence, the early detection of breast cancer.

Key words: <u>Breast Neoplasms</u>, Real-Time Polymerase Chain Reaction, Circulating tumor cells (CTCs), early diagnosis